



Bilille recrute un ingénieur de recherche (H/F) en analyse de données

CONTEXTE

Les Plateformes Lilloises en Biologie et Santé (PLBS – UAR CNRS 2014 – US Inserm 41) mettent à disposition des laboratoires de recherche publics et privés des équipements mutualisés et des expertises technologiques et méthodologiques. PLBS compte 8 plateformes et relève de 5 institutions de tutelles : Université de Lille, CNRS, Inserm, CHU de Lille et Institut Pasteur de Lille (<https://ums-plbs.univ-lille.fr/>).

Parmi ces plateformes, Bilille, de par son expertise en bioinformatique et biostatistique, répond aux besoins en analyse de données et en développements informatiques pour le traitement de données (<https://ums-plbs.univ-lille.fr/les-plateformes-constitutives/bioinformatique-biostatistique>). Suite à une mise en disponibilité de 5 ans d'un ingénieur de la plateforme, Bilille recrute un ingénieur (H/F) en bioinformatique avec une première expérience dans la réalisation et l'encadrement de projet traitant de données NGS. Le contrat, en CDD, sera établi pour une durée initiale de 12 mois avec possibilité de renouvellement chaque année.

MISSIONS

- Contribuer aux missions de la plateforme Bilille, notamment pour le montage, la réalisation et l'encadrement de projets d'analyse de données par des approches bioinformatiques au service des unités de recherche en Biologie et Santé de la métropole Lilloise.
- Garantir le maintien et le développement des compétences en interne à la plateforme pour le traitement des nouvelles données massives générées dans le domaine Biologie et Santé.

RATTACHEMENT HIERARCHIQUE

L'ingénieur (H/F) recruté exercera ses missions sous l'autorité du responsable technique de la plateforme.

QUOTITE DE TRAVAIL

100 %

ACTIVITES PRINCIPALES

- Assurer la réalisation, la conduite et l'encadrement de projets d'analyse de données en utilisant les outils de bioinformatique et bioanalyse les plus adaptés.
- Diffuser et valoriser les résultats et réalisations technologiques sous forme de rapports, brevets, publications, présentations orales.
- Participer au montage de projets collaboratifs.
- Orienter et conseiller les utilisateurs pour la mise en œuvre des méthodes d'études et d'interprétation des résultats.
- Assurer et organiser la veille scientifique et technologique dans son domaine d'activité.
- Diffuser les bonnes pratiques bioinformatiques auprès des autres personnels de la plateforme.
- Contribuer à l'activité de formation de la plateforme, par l'intervention dans les formations existantes et le montage de nouvelles formations.
- Contribuer à l'activité de développement de ressources originales (bases de données, packages, logiciels, workflows) au service de la communauté de recherche en biologie et santé, à l'échelle locale, nationale et internationale.
- Assurer le support aux utilisateurs pour l'utilisation des ressources mises à disposition par la plateforme (cloud, cluster...).
- Contribuer à la mise en place d'une démarche qualité.
- Animer des réseaux professionnels d'échange de compétences (séminaires scientifiques et techniques, ...).
- Participer et contribuer aux activités et groupes de travail des infrastructures nationales (IFB) et internationales (ELIXIR).

COMPETENCES

- Connaissances des divers domaines -omiques (génomique, transcriptomique, protéomique, métabolomique, métagénomique).
- Connaissance des outils usuels de bioinformatique : analyse de séquences, annotation, phylogénie, bioinformatique structurale.
- Connaissances générales en biologie.
- Connaissances générales sur les SGBD (oracle, postgresql).
- Maîtrise des bonnes pratiques de développement et de gestion de projet.
- Maîtrise des bonnes pratiques pour l'encadrement (ingénieurs, stagiaires).
- Environnement et réseaux professionnels.
- Culture du domaine.
- Langue anglaise : B2.

SAVOIR-FAIRE OPERATIONNEL

- Utiliser les outils d'analyse courants pour les données omiques (notamment séquençage à haut débit).
- Utiliser les outils de calcul intensif.
- Utiliser des gestionnaires de workflows scientifiques (Galaxy, Snakemake, Nextflow, ...).
- Maîtrise de Python et d'au moins un autre langage de programmation (Java, C++, R, Bash, ...).
- Garantir la qualité et la pertinence des outils d'analyse et des résultats.

- Assurer une veille technique et scientifique.
- Appliquer et contribuer à une démarche qualité.
- Concevoir des ressources et outils pédagogiques.
- Aisance rédactionnelle.

SAVOIR-ÊTRE

- Capacité à travailler en équipe et à l'interface entre plusieurs disciplines.
- Capacité à encadrer d'autres ingénieurs, stagiaires sur des projets.
- Capacité à transmettre ses connaissances en s'adaptant à son interlocuteur.
- Capacité de conceptualisation / Créativité / Sens de l'innovation.
- Sens critique.
- Autonomie et sens de l'initiative.
- Faculté d'adaptation et sens de l'organisation.

FORMATION et REMUNERATION

Master, diplôme d'ingénieur ou doctorat dans le domaine de la bioinformatique. Expérience professionnelle en bioinformatique d'au moins 12 mois nécessaire en l'absence de thèse. Rémunération fixée selon l'expérience à partir de 1992,63 euros brut mensuel.

PRISE DE FONCTION

Le contrat, CDD d'un an, avec possibilité de renouvellement, pourra débuter dès septembre 2024.

MODALITÉS DE CANDIDATURE

Merci d'adresser CV et lettre de motivation à <https://univ-lille.nous-recrutons.fr/poste/bl3xrsw3ft-ingenieur-e-biologiste-en-analyse-de-donnees/>

Pour toute information, merci de contacter bilille@univ-lille.fr.